



Einführung in die Bioinformatik

SoSe 2014

Übungsblatt Nr. 3

Elektronische Abgabe an: joachim.fritscher@student.uni-tuebingen.de

1. Genomsequenzierung

Für welche der folgenden Arten wurde ein Genom bereits sequenziert? Wie gross sind die Genome? Wieviele Gene sind bekannt?

- HIV
- *Pelagibacter ubique*
- *Arbidopsis thaliana*
- *Acanthamoeba polyphaga mimivirus*
- Hund
- Mensch
- Mais

2. NCBI Datenbank

Wie viele verschiedene Spezies werden in der NCBI Datenbank genannt? Wie teilt sich diese Zahl auf Viren, Bakterien, Archaeen und Eukaryoten auf?

3. Shotgun Sequencing und Assembly

Was versteht man unter *Shotgun Sequencing* und was versteht man unter *Assembly*?